

CAPITOLATO SPECIALE

I servizi richiesti sono i seguenti :

- SmallRNA-seq, 10 milioni di frammenti per 6 campioni biologici, inclusi i controlli di qualità del materiale inviato (BioAnalyzer) e la preparazione delle librerie per sequenze corte;
- Supporto bioinformatico: Analisi di qualità del sequenziamento, Analisi quantitativa di miRNA e annotazione in miRBase, analisi comparativa di espressione fra due condizioni a confronto (espressione differenziale):
- Stoccaggio, backup e consegna dati per <500M reads